

圖 1. SSR-13 基因座之分析 21 個芒果品種(系)

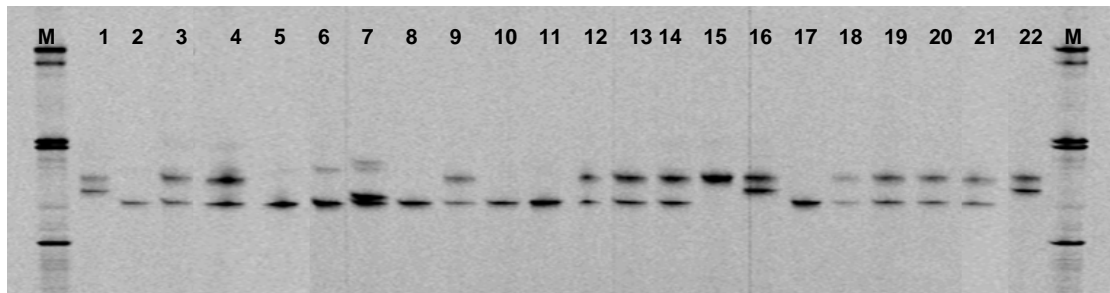


圖 2. SSR-103 基因座之分析 21 個芒果品種(系)

印度棗與毛豆分子標誌建立及在品種鑑定之應用

蔡奇助

以產於查德的棗子葉為材料，利用磁珠富集法進行 SSR 基因座之選殖，磁珠所標定的核苷酸為 3'-biotin-labelled (AG) 15，構築 AG 重複性序列之富集文庫(enriched library)，利用 PIMA 法進行富集文庫的篩選，送出 242 個具有訊號的菌落進行讀序，獲得 131 個 SSR 基因座，其中以 AG、GA 或 CT、TC 為主。主要的重複次數在 10-30 之間，最高重複數為 69 次。除了探針中使用的重複序列外，還觀察到 TG、GT、TA、AT、CA 的重複序列，以及覆合型的微衛星重複序列。以毛豆之葉子為材料，送出 200 個具有訊號的菌落進行讀序，可以獲取 80 個 SSR 基因座，主要的重複次數在 10-30 之間，最高重複數為 80 次。初步利用上述 SSR 基因座進行 12 個毛豆品種(系)，以及 25 印度棗品種進行品種鑑定，皆可以獲取許多有用的分子標誌。

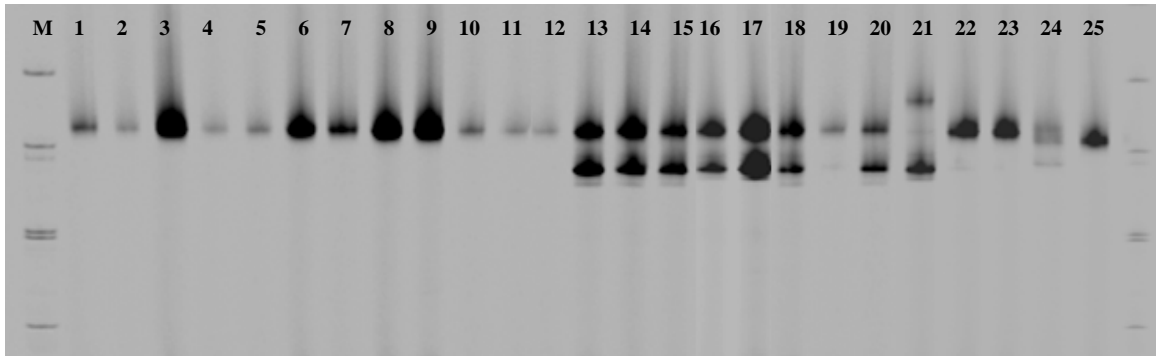


圖 1. SSR-192 基因座之分析 25 個印度藜品種(系)

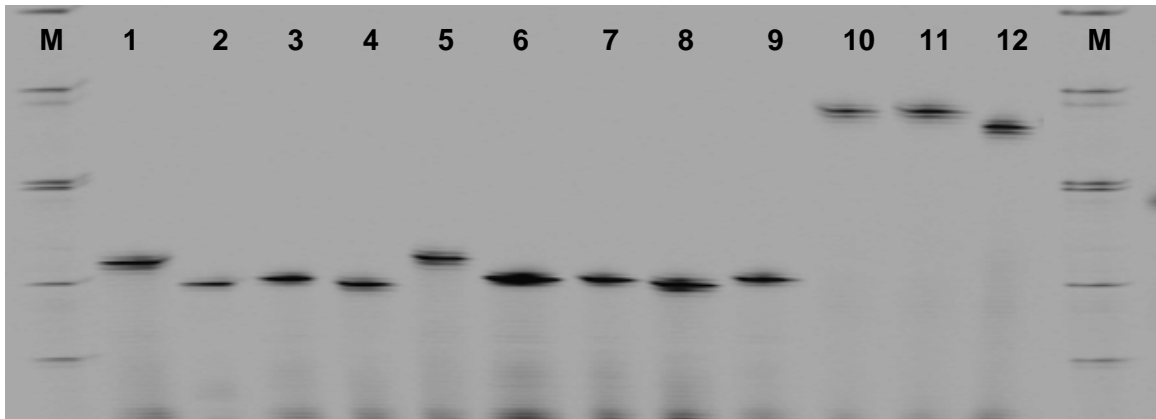


圖 2. SSR-463 基因座之分析 12 個毛豆品種(系)