

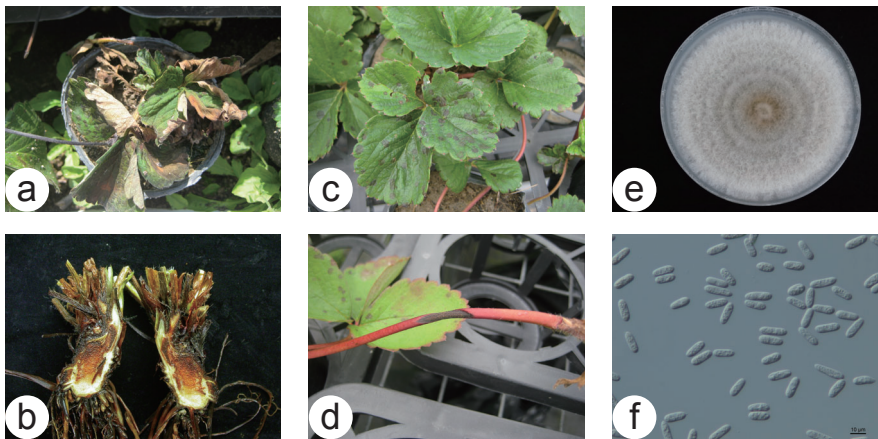


行政院農業委員會苗栗區農業改良場  
Miaoli District Agricultural Research and Extension Station, Council of Agriculture, Executive Yuan

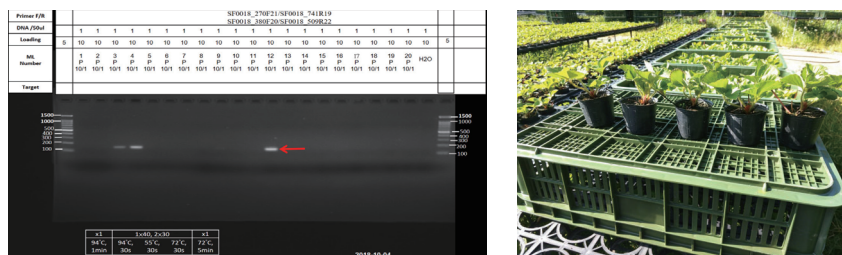
## 臺灣草莓炭疽病菌之族群分析及分子檢測技術之應用

*Colletotrichum* species associated with strawberry anthracnose in Taiwan and application of molecular detection technology

近年草莓產業受到炭疽病嚴重威脅，但因缺乏詳盡的病原菌族群調查，導致發展有效的防治策略與育種方法受到阻礙。為了補全草莓炭疽病的研究當中重要但是缺失的部份進行族群調查，經過型態及多基因分析，確認造成臺灣草莓炭疽病之病原菌包含 *Colletotrichum siamense*、*C. fructicola*、*C. karstii*、*C. boninense* 及一種可能歸類於 *C. acutatum* species complex 的新種。又以 *C. siamense* 為最主要且生長速度快、病原性強之病原菌，此結果將有助於後續防治策略之開發。此外，草莓苗多由農民自行育苗繁殖，最大隱憂在於難以肉眼判斷是否潛伏病菌。爰開發「炭疽病分子檢測技術」，使育苗農民能夠快速檢測，確認欲作為採種母株的莓苗是否安全未帶菌。經統計，國內每年草莓總需苗數達 2,500 萬株，其中約 20% 因感染炭疽病害而損失，透過新研發的篩檢技術，搭配有效清園管理，將可減少 500 萬株苗的死亡，每株苗若以 10 元估算，至少節省 5,000 萬元的育苗成本。



圖一、*C. siamense* 為造成草莓炭疽病最主要且生長速度快、病原性強之病原菌



圖二、利用炭疽病分子檢測技術可檢測出潛伏感染情形 (左) 母株經檢測未帶菌育苗成效良好 (右)

研究人員：鐘珮哲\*、吳竑毅、曾顯雄、洪挺軒、鍾嘉綾  
\*Email: peiche@mdais.gov.tw